

Isolierung und Analyse von Suppressoren des GTP-bindenden Ypt6-Proteins der Bäckerhefe *Saccharomyces cerevisiae* PDF - herunterladen, lesen sie



Leider keine
Abbildung
vorhanden.

HERUNTERLADEN

LESEN

ENGLISH VERSION

DOWNLOAD

READ

Beschreibung

Die Hefe *Saccharomyces cerevisiae* wird schon seit Jahrhunderten für die Herstellung von Bier, Wein und Backwaren eingesetzt. Dabei spielt die Eigenschaft der Hefe, verschiedene Zucker, besonders die Glukose, vollständig zu Ethanol und Kohlenstoffdioxid umsetzen zu

können, eine entscheidende Rolle. Die.

Finden Sie alle Bücher von Miki Tsukada - Isolierung und Analyse von Suppressoren des GTP-bindenden Ypt6-Proteins der Bäckerhefe *Saccharomyces cerevisiae*. Bei der Büchersuchmaschine eurobuch.com können Sie antiquarische und Neubücher VERGLEICHEN UND SOFORT zum Bestpreis bestellen.

23. Febr. 2009 . Wahrnehmung von. Biotinmangel durch. *Saccharomyces cerevisiae*.

Dissertation zur Erlangung des Doktorgrades der. Naturwissenschaften (Dr. rer. nat.) .

Isolierung von genomischer DNA aus *S. cerevisiae* ... eine posttranslationale Modifikation und wird durch das Enzym Biotin-Protein-Ligase (BPL) in.

ISBN 3895886955: Isolierung und Analyse von Suppressoren des GTP-bindeneden Ypt6-Proteins der Bäckerhefe *Saccharomyces cerevisiae* - gebraucht, antiquarisch & neu kaufen ✓ Preisvergleich ✓ Käuferschutz ✓ Wir ♥ Bücher!

Bäckerhefe hat, wie der wissenschaftliche Name besagt (lateinisch *cerevisiae*, deutsch vom Bier), ihren Ursprung in obergärigen Bierhefen. *Saccharomyces* kommt aus dem Altgriechischen und bedeutet „Zuckerpilz“. Zellen von *Saccharomyces cerevisiae* sind rund bis oval und haben einen Durchmesser von 5–10 µm.

24. Nov. 2006 . *Saccharomyces cerevisiae*. Dissertation an der Fakultät für Biologie der Ludwig-Maximilians-Universität. München vorgelegt von. Diplom-Biologin .. Die Two-Hybrid-Analyse der Bindung zytosolischer. Chaperone . Bereich des Proteins vermittelt wird, der in den ersten 30 N-terminalen Aminosäuren des.

neuen Ansatz der Synthetischen Biologie an. Das Hefegenom ist bestens bekannt. Hefe ist genetischen Manipulationen gut zugänglich, und als Eukaryot entsprechen . Der Transfer eines (nahezu) kompletten Biosyntheseweges und die Produktion einer Vorstufe des pflanzlichen Malariamittels Artemisinin in. Hefe sind.

